SEQUENCE LISTING

<110> Mittman, Michael
      Chen, Jake
      Wang, Hui

<120> Computer Software for Sequence Selection

<130> 3262.1

<140> 09/764,324
<141> 2001-01-16

<160> 7

<170> PatentIn version 3.1

<210> 1
<211> 38
<212> DNA
<213> Homo Sapien

<400> 1
attccgggtt agcctgaccg cgcgcgcgcg cgcgcgcg   38

<210> 2
<211> 46
<212> DNA
<213> Homo Sapien

<400> 2
gatcgattcc gattccgggt tagcctgacc gaaaaaaaaa aaaaaa   46

<210> 3
<211> 23
<212> DNA
<213> Homo Sapien

<220>
<221> misc_feature
<222> (23)..(23)
<223> y=x=A,B,C,D

<400> 3
agcctttgac tgttcaagca tty   23

<210> 4
<211> 6
<212> DNA
<213> Homo Sapien

<400> 4
ttgact   6

<210> 5
<211> 11
<212> DNA
<213> Homo Sapien

<400> 5
agatttggct a   11

<210> 6
<211> 14
<212> DNA
<213> Homo Sapien

<220>
<221> misc_feature
<222> (3)..(3)
<223> n=0.5

<220>
<221> misc_feature
<222> (4)..(4)
<223> n=0.5

<400> 6
agnnttggct agtt   14

<210> 7
<211> 23
<212> DNA
<213> Homo Sapiens

<220>
<221> misc_feature
<222> (3)..(3)
<223> n=0.5

<220>
<221> misc_feature
<222> (8)..(8)
<223> n=0.5

<220>
<221> misc_feature
<222> (11)..(11)
<223> n=0.5

<220>
<221> misc_feature
<222> (23)..(23)
<223> n=0.5

<400> 7
agntttgnct ngttcaagca ttn   23